

Diskuze

Dříve se pozorováním zdálo, že velké množství parazitů krásivek je široké hostitelské specifity (Canter 1969). Ale širokou hostitelskou specifitu lze vysvětlit i možnou existencí skrytých druhových komplexů v rámci těchto parazitů.

Evidenci existence skrytého druhového komplexu u parazitů můžeme nalézt např. u houby *Microbotryum violaceum* (Basidiomycota). Je to parazit hvozdíkovitých cévnatých rostlin. Po molekulární analýze této houby na rozdílných hostitelích se přišlo na to, že tento parazit je ve skutečnosti komplex vysoce specializovaných druhů a mnoho linií těchto kryptických druhů se v evoluci vyvíjí již dlouhou dobu samostatně. I přesto, že svým výskytem se geograficky překrývaly, vždy se tyto kryptické druhy lišily v hostitelské specifitě (Le Gac 2007). Což podporuje naši hypotézu, že mnoho houbových parazitů krásivek, kteří jsou morfologicky nerozeznatelní, ale rozlišují se právě v hostitelské specifitě, mohou být ve skutečnosti skryté druhové komplexy. Tuto hypotézu podporují i naše molekulární data.

Co ovšem poněkud může stěžovat určování parazitů jsou jejich možné rozdílné fenotypové variace v závislosti na identitě hostitele (Amin 1975). To vede k mylnému určení a mnohdy ke dvěma různým druhovým názvům pro jediného parazita. Pomocí molekulárních metod jsme nicméně tento fenomén u námi pozorovaných parazitů nepotvrdily a parazité tedy nikdy nevykazovaly hostitelem podmíněnou fenotypovou variaci.

Někteří kryptičtí parazité však vykazovaly kmenovou specifitu. Napadaly jen určité kmeny svých hostitelů. Vzhledem k tomu, že jsme hostitele nepodrobili žádným molekulárním metodám, je tedy teoreticky možná existence skrytých druhových komplexů nejen v rámci těchto parazitů ale i v rámci jejich hostitelů.